

Ringversuch: PH2/21
im Monat: September 2021
Teilnehmer-Nr.: 0000067
ausgestellt am: 11.09.21



Referenzinstitut für Bioanalytik

Laboratoriumsmedizin Dortmund
Dr. A. Eberhard und Partner
Brauhausstr. 4
44137 Dortmund



Ringversuchsleiter

Prof. Dr. C. Knabbe
Prof. Dr. Dr. K.P. Kohse
Prof. Dr. M. Neumaier

Leitung RfB

Dr. W. J. Geilenkeuser
Dr. A. Kessler

Bonn, 1. Oktober 2021

Zertifikat

Wir bestätigen Ihnen hiermit, dass Sie am Ringversuch zur Photometerkontrolle teilgenommen haben.

Sie haben die Anforderungen des Ringversuches für folgende Wellenlängen erfüllt:

334,1 nm	(1)	340,0 nm	(1)	365,4 nm	(1)
404,7 nm	(1)	546,1 nm	(1)	560,0 nm	(1)

Dieses Zertifikat ist gemäss aktueller Version der RiliBÄK gültig bis einschließlich September 2022.

Die hinter jedem Analyten angegebene Ziffer kennzeichnet die angewendete Analysenmethode.
Die Zuordnung der Ziffer zur jeweiligen Methode ist der Gesamtauswertung zu entnehmen.

http://www.rfb.bio/cg/certificate?nr=0000067&rv_id=PH2/21&version=0&uid=DBEA21B7979E54C0A94F214CB885ED9

Auflistung und Bewertung aller Ihrer Ergebnisse

Erläuterungen

Zertifikat

Ein Zertifikat wird nur dann für eine Messgröße ausgestellt, wenn die Grundlagen für die Bewertung der Richtigkeit durch die Richtlinie der Bundesärztekammer gegeben ist bzw. wenn eine Bewertung in Analogie zu dieser Richtlinie (s. Hinweise zur Auswertung) möglich ist, und wenn beide Ergebnisse innerhalb der vorgegebenen Grenzen liegen. (Kennzeichnung unter B: +)

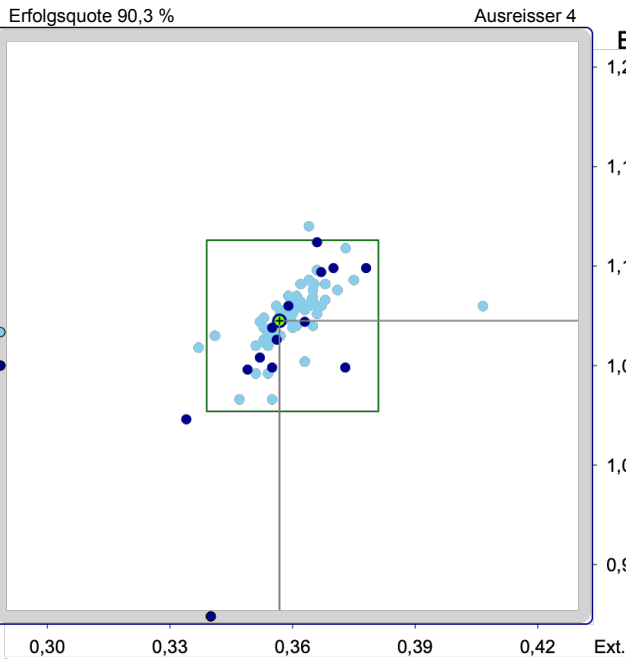
Teilnahmebescheinigung

In der Teilnahmebescheinigung sind alle Messgrößen aufgeführt, welche die Liste auf dieser Seite enthält. Wenn alle untersuchten Messgrößen im Zertifikat aufgeführt sind, entfällt der Ausdruck einer Teilnahmebescheinigung.

Zeichenerklärung: B=Bewertung, M=Methoden-Nr., E=Ihr Ergebnis, D=Abweichung (E-ZW) Dmax=Betrag der maximal zulässigen Messabweichung, z. T. vorgegeben durch die Anlage 1 der Richtlinie der BÄK (Dt. Ärzteblatt 111, Heft 38, 19.9.2014). ZW=Zielwert, ggf. Referenzmethodenwert o. Sollwert, UG OG = untere bzw. obere Grenze	Bewertung: + = erfüllt (Quotient D/Dmax <= 1.0) - = nicht erfüllt (Quotient D/Dmax > 1.0) ± = Bewertung entfällt aus analytischen oder technischen Gründen
---	--

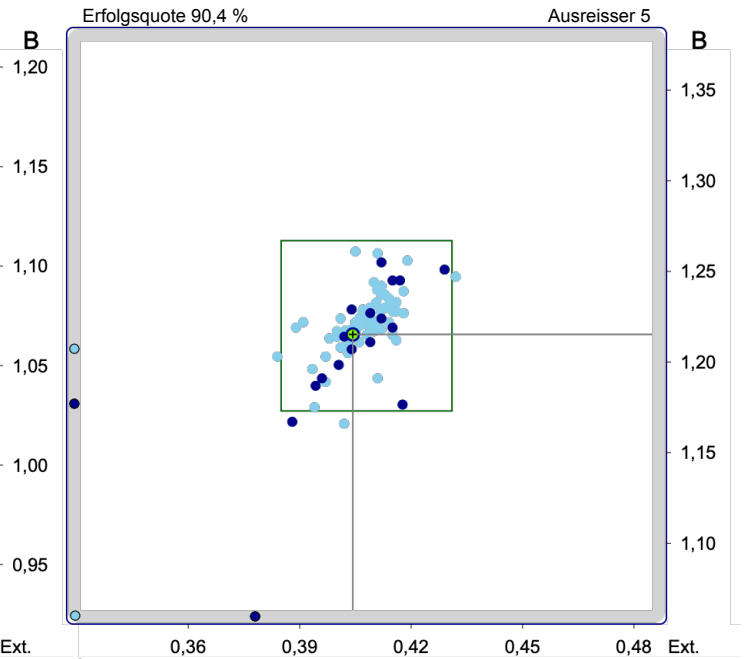
	B	M	E	D/Dmax	ZW	UG	OG								
334,1 nm [Ext.]	+	1	A	0.356	-0.15	0.360	0.339	0.381							
			B	1.073	0.06	1.070	1.027	1.113							
340,0 nm [Ext.]	+	1	A	0.404	-0.16	0.408	0.385	0.431							
			B	1.215	-0.11	1.220	1.173	1.267							
365,4 nm [Ext.]	+	1	A	0.354	0.13	0.352	0.331	0.373							
			B	1.093	0.30	1.080	1.037	1.123							
404,7 nm [Ext.]	+	1	C	0.617	0.10	0.614	0.585	0.643							
			D	1.613	-0.12	1.620	1.561	1.679							
546,1 nm [Ext.]	+	1	E	0.598	-0.13	0.602	0.573	0.631							
			F	1.591	-0.32	1.610	1.551	1.669							
560,0 nm [Ext.]	+	1	E	0.513	-0.02	0.514	0.488	0.540							
			F	1.366	-0.08	1.370	1.318	1.422							

Analyt **334,1 nm**
Methode Alle Methoden



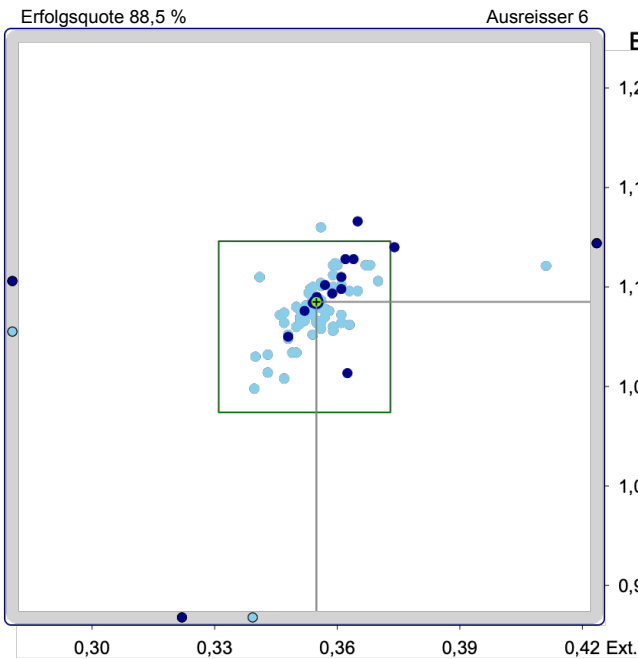
Teilnehmerzahl 83			
Probe/Einheit	A	Ext.	B
Mittelwert	0,3601		1,075
Standardabweichung	0,009		0,017
Variationskoeffizient	2,6		1,6

Analyt **340,0 nm**
Methode Alle Methoden



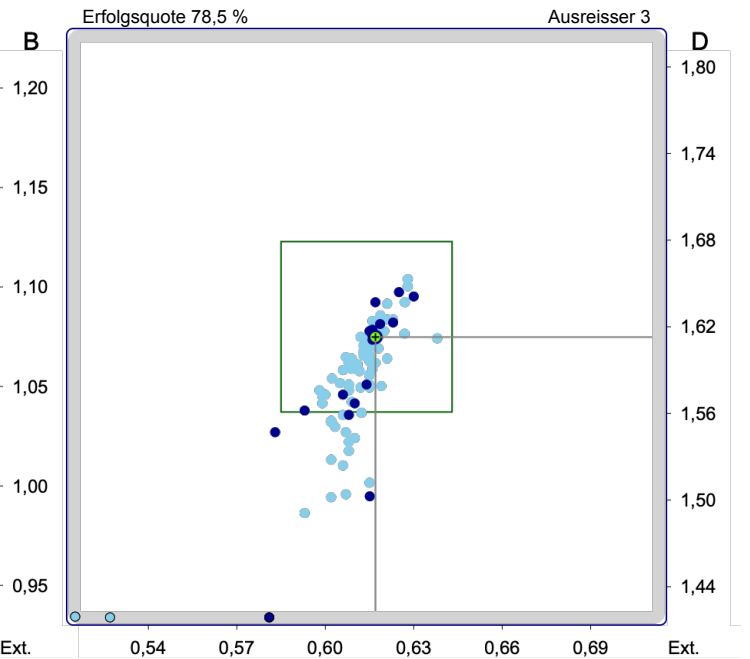
Teilnehmerzahl 94			
Probe/Einheit	A	Ext.	B
Mittelwert	0,4075		1,221
Standardabweichung	0,008		0,019
Variationskoeffizient	2		1,5

Analyt **365,4 nm**
Methode Alle Methoden



Teilnehmerzahl 87			
Probe/Einheit	A	Ext.	B
Mittelwert	0,3556		1,09
Standardabweichung	0,009		0,016
Variationskoeffizient	2,5		1,4

Analyt **404,7 nm**
Methode Alle Methoden

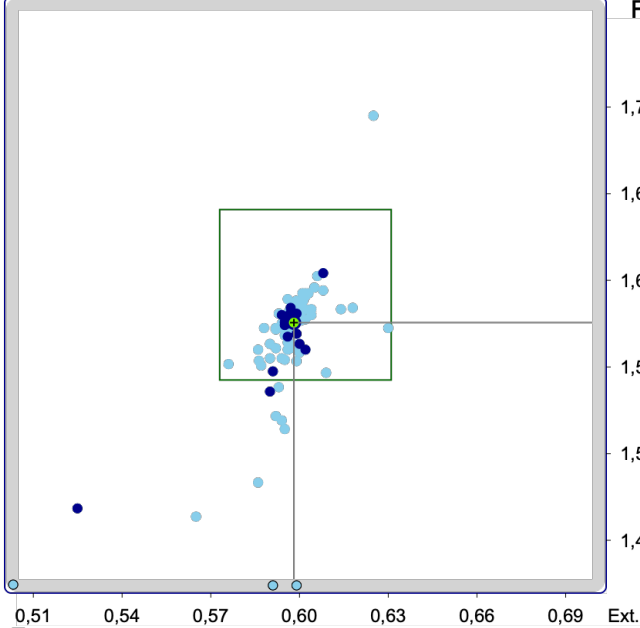


Teilnehmerzahl 98			
Probe/Einheit	C	Ext.	D
Mittelwert	0,6129		1,591
Standardabweichung	0,008		0,035
Variationskoeffizient	1,4		2,2

Analyt **546,1 nm**
 Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 88,2 %

Ausreisser 3



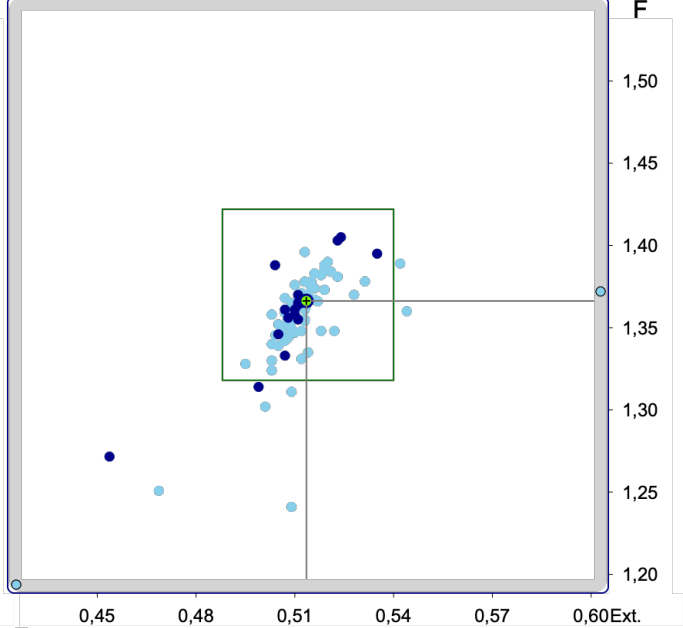
E

Teilnehmerzahl	102		
Probe/Einheit	E	Ext.	F
Mittelwert	0,5969		1,585
Standardabweichung	0,011		0,032
Variationskoeffizient	1,8		2

Analyt **560,0 nm**
 Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 89,3 %

Ausreisser 2



E

Teilnehmerzahl	94		
Probe/Einheit	E	Ext.	F
Mittelwert	0,5114		1,358
Standardabweichung	0,011		0,027
Variationskoeffizient	2,1		2